

Sperm of bulls, sperm doza, fertilizing capacity, energy of sperm, concentration sperm

УДК 636.082.12.082.22

М.С. БЕРДИЧЕВСЬКИЙ

Інститут біології тварин УААН

**МОНІТОРИНГ ПАРАМЕТРІВ ГЕНЕТИЧНОЇ
МІНЛІВОСТІ В ПОПУЛЯЦІЇ ВЕЛИКОЇ РОГАТОЇ
ХУДОБИ ЯК ОСНОВА РЕАЛІЗАЦІЇ ЗАКОНУ
УКРАЇНИ “ПРО ПЛЕМІННУ СПРАВУ
У ТВАРИННИЦТВІ”**

Розроблено систему моніторингу параметрів генетичної мінливості популяцій виду BOS для різних агроекосистем України, що ґрунтуються на 18 поліморфних системах крові та молока і 12 генетично-детермінованих морфофізіологічних ознаках.

Агроекосистеми, моніторинг, параметри генетичної мінливості, популяції, молекулярно-генетичні маркери

Моніторинг параметрів генетичної мінливості популяцій виду BOS, як і будь-яких інших доместикованих видів, являє собою постійне відстежування і прогнозування їхньої динаміки як у часі, так і в просторі із визначенням меж допустимих змін у різних агроекосистемах на основі фено-, імуно-, цито- та молекулярно-генетичних тестів (маркерів).

Матеріал і методика досліджень. У зв'язку з тим що поняття параметрів генетичної мінливості не досить чітко окреслене [1], нами встановлено необхідну і достатню, а тому репрезентативну вибірку означених маркерів для популяції виду BOS, що в сумарному вигляді включають 18 поліморфних систем крові та молока і 12 генетично-детермінованих морфофізіологічних ознак у тій чи іншій популяції.

© М.С. Бердичевський, 2005

Розведення і генетика тварин. 2005. Вип 39.

Виходячи з цього, генетична різноманітність описується статистикою Нея (G_{ST}) так, як її подано в роботі Ю.П. Алтухова [2].

Результати дослідження. Реалізуючи систему моніторингу на західному типі чорно-рябої молочної породи України, ми показали, що серед найбільш розповсюджених 25 алелів (феногруп) голштинської худоби 14 є характерними і для місцевої чорно-рябої худоби, вказуючи, таким чином, на їхню значну генетичну спорідненість. Разом з тим очевидно, що алелі $Y2O'G'TQ'$; $Y2D'E'F'O'$; $B2G2Y2O'$ могли б бути привнесені в популяцію чорно-рябої худоби відповідно датською або естонською породами.

Особливо великий інтерес представляють алелі $B2G2K$; $B'O'$; $G2T2Y2A2'D'B''G'Q'Y'B'$; $B2O2Y2A2G'P2'Q'G'$, які не є характерними для чорно-рябої, але у симентальської швіцької та бурої карпатської порід широко розповсюжені. Отже, підтверджуються дані генеалогічного аналізу про гетерогенність місцевої чорно-рябої породи. Оцінюючи міру подібності двох порід (чорно-рябої та голштинської), неважко побачити, що голштинська порода характеризується надзвичайно високою частотою алеля $G2Y2E2O'$, тоді як у чорно-рябої його частота майже втричі нижча (0,204 проти 0,065), що однозначно вказує на збільшення на відповідну величину рівня генетичної консолідації першої і високої гетерогенності другої з порід.

Користуючись даними наших досліджень, декілька авторів [3] показали, що серед 9 популяцій чорно-рябої породи Європейської частини колишнього СРСР найбільша величина імуно-генетичної дистанції спостерігається між литовською і краснодарською популяціями, а найменша — між львівською та популяцією центральних областей Росії. Наши розрахунки, здійснені на основі даних генних частот ряду алелів системи груп крові стосовно до міри генетичної подібності західного типу чорно-рябої породи ряду споріднених з нею типів і порід України та світу показують: він найбільше подібний уже до голштинської, ніж голландської, і навіть до вихідного типу чорно-рябої породи західного регіону України, що вказує на значний ефект, отриманий від голштинізації останнього.

Аналогічна закономірність спостерігається і при аналізі результатів феногенетичних досліджень. Характеризуючи західний тип худоби відносно масті як об'єкта феногенетичного

тестування, слід відмітити, що масть сучасної чорно-рябої худоби України є неоднорідною з деяким відхиленням від "голландської" моделі з білою проточиною або плямою на лобі та двома білими смугами на тулубі. Для тварин, одержаних у результаті схрещування місцевої чорно-рябої породи з голштинськими бугаями, характерна, як правило, чорно-ряба масть з перевагою чорних чи білих відмітин.

Разом з тим, окрім загальнопопуляційних характеристик, у чисто практичному плані система моніторингу генетичної мінливості популяції здійснюється на основі ідентифікації кожної тварини за фено-, імуно-, цито- та молекулярно-генетичними маркерами і є основовою для:

- глибокого генетичного аналізу генеалогічної структури популяції і порід та оцінки рівня їхньої генетичної мінливості, подібності й диференціації [4];
- діагностики генетичних порушень, оцінки генетичного здоров'я та гігієни спадковості популяції [5];
- комплексної генетичної оцінки бугайів та родонаочальниць родин за якістю нашадків;
- формування і постійного поповнення комп'ютерної бази даних високоцінних у племінному та унікальних у генетичному відношенні типів тварин;
- ефективного підбору та відбору тварин і контролю за станом реалізації розроблених програм.

Використовуючи методи багатомірного фенотипування [6] та сумарних нормованих відхилень [7], застосовуючи спеціальний алгоритм, у кожній популяції (стаді) виділяють фено-класи тварин M^- , M_0 , M^+ , один із яких за даними їхньої всебічної морфофізіологічної оцінки визначається найбільш оптимальним з точки зору енергетичних, речовинних та економічних можливостей тієї чи іншої агрокосистеми.

Зазначимо, що пропонована система селекції справедлива, практично, для будь-яких популяцій, порід і видів сільсько-господарських тварин та забезпечує як ефективний моніторинг [8], так і оптимізацію селекційного процесу.

Висновки. Розроблена автором система моніторингу параметрів генетичної мінливості популяції великої рогатої худоби забезпечує можливість її відстежування в масштабах окремих

структурних компонентів популяцій і порід як у часі, так і в просторі.

1. Лавантин Р. Генетические основы эволюции. – М.: Мир, 1978. – С. 30-104.
2. Алтухов Ю.П. Внутривидовое генетическое разнообразие: мониторинг и принципы сохранения // Генетика. – 1995. – Т. 31, № 10. – С. 1333-1335.
3. Машуров А.М., Сороновой Л.Ф. и др. Микрофилогения некоторых популяций чёрно-пёстрого скота Европейской части СССР // Докл. ВАСХНИЛ. – 1989. – № 12. – С. 65-68.
4. Бердичевський М.С., Чайковська О.І. Популяційний контроль у селекційно-племінній роботі з великою рогатою худобою. – Львів, 1983. – 29 с.
5. Визнер Э., Вильпер З. Ветеринарная патогенетика. – М.: Колос, 1979. – С. 143-169.
6. Ростовцев В.Н. Генетика и диагноз. – Минск, 1988.
7. Животовский Л.А. Интеграция полигенных систем в популяциях. – М.: Наука, 1984. – С. 95-155.
8. Cunningham E.P. Presents and future perspectives in animal breeding research. XV Int. Congr. Genet. – New Delhi, Oxford, 1983. – Р. 112-114.

МОНИТОРИНГ ПАРАМЕТРОВ ГЕНЕТИЧЕСКОЙ ИЗМЕНЧИВОСТИ КРУПНОГО РОГАТОГО СКОТА КАК ОСНОВА РЕАЛИЗАЦИИ ЗАКОНА УКРАИНЫ "О ПЛЕМЕННОМ ЖИВОТНОВОДСТВЕ". М.С. Бердичевский

Разработана система мониторинга параметров генетической изменчивости популяций вида *BOS* для разных агрозоисистем Украины, что базируется на 18 полиморфных системах крови и молока и 12 генетически детермированных морфофизиологических признаках.

Агрозоисистемы, мониторинг, параметры генетической изменяемости, популяции, молекулярно-генетические маркеры

THE MONITORING OF PARAMETERS OF GENETIC VARIABILITY IN A CATTLE POPULATION AS A REALIZATION THE LAW OF UKRAINE "ABOUT ANIMAL PEDIGREE". M.S. Berdichevsky

The monitoring system of genetic variability parameters of *BOS* kind populations for different agroecosystems of Ukraine based on 18 polymor-

phic systems of blood and milk and 12 generically-determined morphophysiological attributes was developed.

Agroecosystems, monitoring, parameters of genetic variability, population

УДК 636.22/28 082.2 (471.74)

В.К. ІВАНОВ

Одеський державний аграрний університет

СУЧАСНИЙ СТАН ПЛЕМРЕСУРСІВ МОЛОЧНИХ ПОРІД ОДЕЩИНИ

Узагальнено зоотехнічні та економічні показники роботи 37 племгосподарств із розведенням трьох основних для області молочних порід. За підсумками в цій категорії господарств країні показники одержано по українській червоно-рябій породі. Серед проблем галузі першочергове значення мають зміцнення кормової бази, підвищення закупівельних цін на молоко тощо.

Порода, селекція

На виконання Закону України "Про племінну справу у тваринництві" в лютому 2004 р. розроблено загальнодержавну програму селекції у тваринництві на період до 2010 р., основною метою якої є створення в господарствах високопродуктивного поголів'я на основі поліпшення генетичної якості тварин, ефективного використання їх та забезпечення функціонування єдиної системи селекції.

Південний регіон посідає чільне місце в структурі племгосподарств країни, тому аналіз їхньої діяльності необхідний для корекції селекційних процесів, що відбуваються з породами в галузі.

Зараз в Україні налічується 2150 племгосподарств, з них 137 на Одещині, в тому числі 37 — з молочного скотарства (5 племзаводів і 32 племрепродуктори), які займаються розведенням

© В.К. Іванов, 2005

Розведення і генетика тварин. 2005. Вип 39.